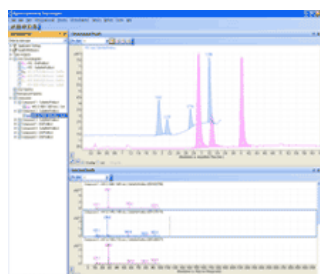


Software



Co by byl kvalitní instrument bez správného software, který dokáže rychle a jednoduše změřit a vyhodnotit Vaše vzorky. Agilent přináší kompletní softwarovou platformu MassHunter, s jejíž pomocí získáte vše zmiňované včetně dalších modulů, které rozšíří Vaše možnosti v proteomice, metabolomice, profilování, statistickém vyhodnocování či hledání v databázích.

MassHunter Workstation

Nový Agilent MassHunter Workstation software poskytuje intuitivní a přesto výkonný softwarový nástroj pro ovládání instrumentu, sběr dat, kvantitativní a kvalitativní analýzu dat a reportování pro instrumenty Single Quadropole, Triple Quadropole, TOF, QTOF a ICP-MS.

MassHunter BioConfirm

Agilent MassHunter BioConfirm software se ideálně hodí pro vědce, kteří se specializují na expresi rekombinantních bílkovin, charakterizaci známých proteinů nebo konfirmaci syntetických peptidů.

MassHunter Metabolite ID

MassHunter Metabolite ID software výrazně zjednodušuje identifikaci metabolitů, aniž byste ztratili kontrolu nad výběrem a ovládání SW. Používá se s Agilent QTOF systémy, které poskytují MS a MS/MS data vynikající kvality.

MassHunter Mass Profiler

Agilent MassHunter Profiler software je speciálně navržen pro profilovací aplikace jako hledání biomarkerů. MassHunter Profilování software využívá unikátní algoritmus Molecular Feature Extractor a korelační algoritmus, který lépe zvládá identifikaci komponent i ve velmi složitých směsích.

METLIN Personal Metabolite Database

Databáze metabolitů může výrazně zlepšit identifikaci metabolitů pomocí zúžení seznamu možných identit. METLIN Metabolite Database je dnes nejkomplexnější databáze metabolitů.

Mass Profiler Professional Software

Agilent Mass Profiler Professional software je jediný chemometrický softwarový balík navržený pro využití vysokého informačního obsahu dat z hmotnostní spektrometrie. Uživatelé mohou snadno importovat, analyzovat a vizualizovat GC/MS, LC/MS, CE/MS a ICP-MS data z velkých souborů měření.

GeneSpring MS

GeneSpring MS software byl nahrazen softwarem Mass Profiler Professional – novým

chemometrickým softwarovým balíčkem, který byl navržen pro využití dat s vysokým informačním obsahem z hmotnostní spektrometrie.

[Spectrum Mill for MassHunter Workstation](#)

Charakterizace proteomu často vede k problémům při interpretaci dat. Spektrum Mill pro MassHunter Workstation rychle identifikuje proteiny a peptidy pomocí vyhledávání v databázi s automatickou nebo manuální validací shody a s unikátními algoritmy, které minimalizují počet falešně pozitivních výsledků.

Odkazy:

[LCMS](#)